

Manual prático-teórico: sequenciamento, montagem e anotação de genomas bacterianos

Azevedo, Vasco Ariston de Carvalho, org.
ISBN 9788560249831

Sumário

APRESENTAÇÃO 9

CONSTRUÇÃO DAS BIBLIOTECAS MATE-PAIRED PARA SEQUENCIAMENTO
SOLID 13

INTRODUÇÃO AO LINUX 17

DISTRIBUIÇÃO DO LINUX 18

COMO SE CONECTAR A PARTIR DO WINDOWS 18

COMANDOS LINUX 20

CONSULTANDO O NCBI 20

MYSQL - BANCO DE DADOS PARA ORGANIZAR E INTERPRETAR SEUS DADOS
39

MONTAGEM GERAÇÃO DE SCAFFOLDS E FINALIZAÇÃO DE GENOMAS
PROCARIOTOS IN SILICO 59

ANALISANDO A QUALIDADE DO SEQUENCIAMENTO 61

MONTAGEM DE GENOMAS PROCARIOTOS 62

GERAÇÃO DE SCAFFOLD 66

UTILIZAÇÃO DE LEITURAS CURTAS PARA ELIMINAÇÃO DE GAPS 67

SOLID RUN AVALYSIS 75

PREDIÇÃO GÊNICA 83

FGENESB -SUÍTE DE PROGRAMAS PARA PREDIÇÃO GÊNICA E BUSCA DE
OPERON BACTERIANO 83

PREDIÇÃO DE DNA REPETITIVO 87

PREDIÇÃO DE rRNA 87

PREDIÇÃO DE tRNA 88

ANOTAÇÃO FUNCIONAL DE GENOMAS REALIZADA COMPUTACIONALMENTE 91

ANOTAÇÃO GENÔMICA - CURADORIA MANUAL 111

ARTEMIS: DNA SEQUENCE VIEW AND ANNOTATION TOOL 111

ANÁLISES COMPARATIVAS IN SILICO 119

ACT: ARTEMIS COMPARISON TOOL 119
IDENTIFICAÇÃO IN SILICO DE PROTEÍNAS TRANSMEMBRANAS OU
SECRETADAS 125
APLICAÇÕES 126
PROGRAMAS PARA PREDIÇÃO DE PROTEÍNAS TRANSMEMBRANA 126
PREDIÇÃO DE PROTEÍNAS SECRETADAS 130
PREDIÇÃO DE EPÍTOPOS 139
NETMHC SERVER 3.2 139
NET MHCII 2.2 140
BEPIPRED 1.0
SUBMISSÃO DE UM GENOMA PROCARIOTO AO NCBI: NATIONAL CENTER FOR
BIOTECHNOLOGY INFORMATION 145